

keywords:  Expectation:  UPE:    miRNA Acc.

e.g. AT1G27360, miR156, transcription factor ... Range: 0.0 - 3.0 Range: 0.0 - 25.0 by:

List of Predicted miRNA/Target Pairs [#Session ID: 1332363803601223]

[Batch Download](#) [Prev Page](#) [Next Page](#) Page No. 1 / Total 1 Pages , 5 Records

miRNA Acc.	Target Acc.	Expectation (E)	Target Accessibility (UPE)	Alignment	Target Description	Inhibition	Multiplicity
<a href="#">scaffold1880.Lu0910.pre-miRNA:1007.miRNA:5901</a>	<a href="#">Contig6926</a>	3.0	15.074	miRNA 21 AUCUCCUCGUUUUUUUCGA 1 : : : : : : : : : : : : : : : : Target 1300 UAGGAGGAGCAAAGGGAGGUU 1320	Cleavage	1	
<a href="#">scaffold1880.Lu0910.pre-miRNA:1007.miRNA:5904</a>	<a href="#">Contig6926</a>	3.0	15.074	miRNA 20 AUCUCCUCGUUUUUUUCG 1 : : : : : : : : : : : : : : : : Target 1300 UAGGAGGAGCAAAGGGAGGU 1319	Cleavage	1	
<a href="#">scaffold521.Lu0910.pre-miRNA:2295.miRNA:13924</a>	<a href="#">Contig6926</a>	3.0	11.947	miRNA 20 UUGUUGGAAAUUCGAUUUU 1 : : : : : : : : : : : : : : : : Target 156 AACAAACCUUGGAGUGAAAA 175	Cleavage	1	
<a href="#">scaffold521.Lu0910.pre-miRNA:2296.miRNA:13930</a>	<a href="#">Contig6926</a>	3.0	11.947	miRNA 20 UUGUUGGAAAUUCGAUUUU 1 : : : : : : : : : : : : : : : : Target 156 AACAAACCUUGGAGUGAAAA 175	Cleavage	1	
<a href="#">scaffold521.Lu0910.pre-miRNA:2297.miRNA:13936</a>	<a href="#">Contig6926</a>	3.0	11.947	miRNA 20 UUGUUGGAAAUUCGAUUUU 1 : : : : : : : : : : : : : : : : Target 156 AACAAACCUUGGAGUGAAAA 175	Cleavage	1	