

keywords: Expectation: UPE:

e.g. AT1G27360, miR156, transcription factor ... Range: 0.0 - 3.0 Range: 0.0 - 25.0 by:

List of Predicted miRNA/Target Pairs [#Session ID: 1332363080486463]

[Batch Download](#) [Prev Page](#) [Next Page](#) Page No. 1 / Total 1 Pages , 5 Records

miRNA Acc.	Target Acc.	Expectation (E)	Target Accessibility (UPE)	Alignment	Target Description	Inhibition	Multiplicity
scaffold1238.Lu0910.pre-miRNA:891.miRNA:5208	Contig14005	2.0	9.488	miRNA 21 UAAAAAAAAAAUAGAGAGAGA 1 .: : : : : : : : : : : : : : : Target 442 GUUUUUUUUUUACUUUCUUA 462	Cleavage	1	
scaffold1238.Lu0910.pre-miRNA:891.miRNA:5208	LUSLE4AD-T3-039_M04_06OCT2009_004	2.0	10.704	miRNA 20 AAAAAAAAAAAUAGAGAGAGA 1 .: : : : : : : : : : : : : : : Target 645 GUUUUUUUUUUCUCUCUCUCU 664	Translation	1	
scaffold1238.Lu0910.pre-miRNA:891.miRNA:5208	Contig2149	2.0	12.246	miRNA 20 AAAAAAAAAAAUAGAGAGAGA 1 .: : : : : : : : : : : : : : : Target 46 UUUCUUUUUUUCUCUCUCUCU 65	Translation	1	
scaffold1238.Lu0910.pre-miRNA:891.miRNA:5208	Contig5653	2.5	19.192	miRNA 20 AAAAAAAAAAAUAGAGAGAGA 1 .: : : : : : : : : : : : : : : Target 115 UUUUUUUUUUUUUUUUUUCU 134	Translation	1	
scaffold1238.Lu0910.pre-miRNA:891.miRNA:5208	Contig5555	2.5	20.603	miRNA 21 UAAAAAAAAAAUAGAGAGAGA 1 .: : : : : : : : : : : : : : : Target 923 AUUUUUUUUUUUGUUUCUCG 943	Cleavage	1	